CENTRE HOSPITALIER UNIVERSITAIRE DE LILLE

Pôle de Biologie-Pathologie-Génétique — Plateforme de biologie moléculaire des tumeurs solides

ANALYSES DE GÉNÉTIQUE MOLÉCULAIRE DES TUMEURS SOLIDES

pathologiemoleculaire@chu-lille.fr bm.tumeurs.solides@chu-lille.fr

Afin d'aider à la prise en charge du patient, je vous demande de bien vouloir faire parvenir à la plateforme de biologie moléculaire des tumeurs solides du CHU de Lille le bloc tumoral représentatif. **La plateforme s'engage à vous restituer les blocs sitôt les analyses effectuées.**

Merci d'adresser les blocs à : Institut de Pathologie – Centre de Biologie Pathologie Génétique – CHU de Lille – Bd Jules Leclerc CS 70001 – 59037 Lille Cedex

Cette prescription vaut engagement de l'établissement de soin prescripteur selon l'instruction n° DGOS/PF4/DSS/1A/2018/101 du 16 avril 2018.

MÉDECIN PRESCRIPTEUR	IDENTIFICATION DU PATIENT (ou étiquette)
Nom :	Nom :
Service :	Prénom :
Établissement à facturer :	Nom de naissance :
Date de la demande :	Date de naissance :
Signature :	Sexe : ☐ F ☐ M

Renseignements cliniques

Urgent : ☐ OUI ☐ NON Si urgent, faxer au :

Cancer primitif : ☐ pulmonaire ☐ colorectal ☐ mélanome ☐ gliome ☐ GIST ☐ autre :

Stade : ☐ localisé ☐ métastatique ☐ impasse thérapeutique

Traitement(s) actuel(s) et antérieur(s) :

Recherche de mutations de résistance : ☐ oui ☐ non

Tabagisme : ☐ non-fumeur ☐ tabagisme passif ☐ fumeur actif ☐ ancien fumeur PA :

Si contexte clinique particulier (ex : ATCD de cancer), préciser :

Patient(e) averti(e) de la possibilité d'identification de variants incidents lors de l'analyse NGS : ☐ OUI ☐ NON

Recherche clinique

Le patient a été informé ce jour de la potentielle réutilisation de ses données et échantillons issus du soin pour des projets de recherche du CHU de Lille. Je lui ai remis ce jour la note d'informations des collections biologiques du CHU de LILLE :

☐ Oui ☐ Non

Pathologiste et informations concernant le prélèvement *(merci de nous fournir blocs et compte-rendu anatomo-pathologique)*

Nom du pathologiste : Établissement : Date d'envoi : / /

Blocs transmis : ☐ paraffine (nombre : références : ☐ Autre (préciser) :

% de cellules tumorales : % de nécrose : Commentaires éventuels :

CENTRE HOSPITALIER UNIVERSITAIRE DE LILLE

Pôle de Biologie-Pathologie-Génétique — Plateforme de biologie moléculaire des tumeurs solides

ANALYSES DE GÉNÉTIQUE MOLÉCULAIRE DES TUMEURS SOLIDES

✉ pathologiemoleculaire@chu-lille.fr ✉ bm.tumeurs.solides@chu-lille.fr

CANCERS BRONCHO-PULMONAIRES

- ☐ Panel NGS (41 gènes dont variants/CNV dans les gènes *EGFR/BRAF/KRAS/ERBB2/MET*) et recherche de fusion par NGS (Archer FusionPlex©) si absence de driver et/ou statut tabagique négatif *(B4000)*
- ☐ Translocations *ALK* (FISH – joindre résultat IHC) *(A070)*
- ☐ Translocations *ROS1* (FISH – joindre résultat IHC) *(A070)*
- ☐ Amplifications *MET* (IHC +/- FISH) *(A070)*
- ☐ Recherche ciblée de mutations du gène *EGFR* *(B950)*

CANCERS COLO-RECTAUX

- ☐ Recherche de mutations *KRAS-NRAS-BRAF* *(B1475+B813)*
- ☐ Panel NGS 41 gènes dont *KRAS/NRAS/BRAF/POLE/PIK3CA* *(N452)*
- ☐ Recherche d'instabilité microsatellitaire (MSI) *(N500)*
- ☐ Statut Méthylation du gène *MLH1* *(N533)*

(sera ajoutée en cas de MSI avec perte de MLH1 et/ou PMS2)

PANCREAS

- ☐ Panel NGS (43 gènes dont *IDH1/KRAS/BRAF/BRCA1/BRCA2*) *(N453)*
- ☐ Recherche d'instabilité microsatellitaire (MSI) *(N500)*
- ☐ Recherche de transcrits de fusion par NGS (Archer FusionPlex©) *(N452)*

CANCERS UROTHÉLIAUX

- ☐ Panel NGS (41 gènes dont variants *FGFR1/FGFR2/FGFR3*) *(N452)*
- ☐ Recherche de transcrits de fusion (Archer FusionPlex©) dont transcrits *FGFR2/FGFR3* *(N452)*
- ☐ Recherche d'instabilité microsatellitaire (MSI) *(N500)*

CHOLANGIOCARCINOME

- ☐ Panel NGS (41 gènes dont *IDH1/KRAS/BRAF*) *(N452)*
- ☐ Panel NGS (43 gènes dont *IDH1/KRAS/BRAF/BRCA1/BRCA2*) *(N453)*
- ☐ Recherche de transcrits de fusion (Archer FusionPlex©) dont transcrit *FGFR2* *(N452)*
- ☐ Recherche d'instabilité microsatellitaire (MSI) *(N500)*

MÉLANOMES

- ☐ Panel NGS (41 gènes dont *BRAF/NRAS/KIT*) *(N452)*
- ☐ Recherche de transcrits de fusion (Archer FusionPlex©) *(N453)*

GIST

- ☐ Panel NGS (41 gènes dont *KIT/PDGFRA/BRAF/KRAS*) *(B1800)*
- ☐ Recherche de transcrits de fusion (Archer FusionPlex©) *(N452)*

OVAIRE / PÉRITOINE / TROMPE DE FALLOPE

- ☐ Panel NGS large 638 gènes, incluant *BRCA1/BRCA2* et score HRD *(B8120)*
- ☐ Recherche d'instabilité microsatellitaire (MSI) *(N500)*

CANCERS DU SEIN

- ☐ Gènes *BRCA1/BRCA2* seuls par panel NGS *(N452)*
- ☐ Panel NGS 43 gènes incluant *BRCA1/BRCA2/PIK3CA/ESR1* *(N453)*

TUMEURS DE L'ENDOMÈTRE

- ☐ Panel NGS (41 gènes dont *POLE/TP53*) *(N452)*
- ☐ Recherche d'instabilité microsatellitaire (MSI) *(N500)*
- ☐ Statut Méthylation du gène *MLH1* *(N533)*

CANCERS DE LA PROSTATE

- ☐ Gènes *BRCA1/BRCA2* seuls par panel NGS *(N452)*
- ☐ Recherche d'instabilité microsatellitaire (MSI) *(N500)*

THYROïDE

- ☐ Panel NGS (41 gènes dont *BRAF/HRAS/NRAS/KRAS/RET*) *(N452)*
- ☐ Recherche de transcrits de fusion (Archer FusionPlex©) *(N453)*
- ☐ Recherche d'instabilité microsatellitaire (MSI) *(N500)*

SARCOMES

- ☐ Panel NGS (41 gènes dont anomalies *TP53*) *(N452)*
- ☐ Recherche de transcrits de fusion (Archer FusionPlex©) *(N453)*
- ☐ Profil chromosomique par caryotype moléculaire (CGH) *(V016)*
- ☐ Panel NGS large 638 gènes (OncoDEEP©) *(N454)*

TUMEURS CEREBRALES

Préciser contexte clinico-pathologique et cocher analyse(s) souhaitée(s) :

- ☐ Panel NGS (41 gènes dont *IDH1/IDH2*/histones/*TERT/FGFR1*) *(N452)*
- ☐ Recherche de transcrits de fusion (Archer FusionPlex©) *(N453)*
- ☐ Panel NGS large 638 gènes, incluant score TMB (OncoDEEP©) *(N454)*
- ☐ Étude de méthylation du gène *MGMT* *(N532)*
- ☐ Profil chromosomique par caryotype moléculaire (CGH) *(V016)*
- ☐ Méthylome *(N453)*
- ☐ Recherche de mutations du promoteur de *TERT* *(N408)*
- ☐ Recherche d'altérations du gène *FGFR1* (PCR digitale) *(N408*2)*

AUTRES CONTEXTES

Préciser contexte clinico-pathologique et cocher analyse(s) souhaitée(s) :

- ☐ Panel NGS 41 gènes *(N452)*
- ☐ Panel NGS 43 gènes dont *BRCA1/BRCA2* *(N453)*
- ☐ Panel NGS large 638 gènes, incluant score TMB (OncoDEEP©) *(N454)*
- ☐ Recherche d'instabilité microsatellitaire (MSI) *(N500)*
- ☐ Statut Méthylation du gène *MLH1* *(N533)*
- ☐ Recherche de transcrits de fusion (Archer FusionPlex©) *(N452)*
- ☐ Profil chromosomique - caryotype moléculaire (CGH) *(V016)*
- ☐ Étude de méthylation du gène *MGMT* *(N532)*
- ☐ autres analyses :

La facturation est effectuée en fonction des règles applicables au RIHN et à la Nomenclature des Actes de Biologie Médicale.